

Shaded region - Spike interacting region : 117bp - 123bp of *Homo sapiens*

GTCTTATCAAAGTTCACTTGCTTGGATTATAACACCAATTACCGATGAGAATGTCCAAAAGATGAAGCTGGGCCAATGGTCTGCCTTTATGAAGAACAGTCCAAGATTCCA Majority													
	130	140	150	160	170	180	190	200	210	220	230	240	250
117	CA.A.	.	.	CG...G...	Bos_indicus.seq	
117	CA.A.	.	.	CG...G...	Bos_indicus x Bos_taurus.seq		
117	CA.A.	.	.	CG...G...	Bos_taurus.seq		
117	CA.A.	.	C.	CG...G...	Bison_bison_bison.seq		
114	CA.	.	.	CG...G...	Bubalus_bubalis.seq		
117	CA.	.	.	CG...G...	Ovis_aries.seq		
117	CA.	.	A.	CG...G...	Capra_hircus.seq		
117	G.	.	.	C.AT.	.	A.	.	T..CA.	.	C.	A..TCG.	Sus_scrofa.seq	
117	.	.	.	A.	.	.	T..CA.	.	A.	A..C.	Camelus_bactrianus.seq		
117	.	.	.	A.	.	.	T..CA.	.	A.	A..C.	Camelus_dromedarius.seq		
117	..C.	.	G.	.	T..C.	.	C..G.	.	.	G..C.	Equus_asinus.seq		
117	..C.	.	G.	.	T..C.	.	C..G.	.	.	G..C.	Equus_caballus.seq		
117	A.A.	.	G..G.	.	C..G..A..	.	G..C.ACAAG.G.	.	A.	.	G.C.	Phyllostomus_discolor.seq	
117	.T.	.	C..G..G..	.	C..A..A..	.	C.ACAG..G.	.	.	C..C..C..C..	Pteropus_alecto.seq		
117	.C..G..G..C..	.	C..A..A..	.	C..A..A..	.	C.ACAG..G.	.	C..C..C..C..	Myotis_brandtii.seq			
117	.C..G..G..G..	.	C..A..A..	.	C..A..A..	.	ACAG..G.	.	A..C..C..C..	Eptesicus_fuscus.seq			
117	.T..A..	.	C..A..A..	.	G..A..A..	.	G..A..CAG.TG..	.	A..AG.A.C..C..	Desmodus_rotundus.seq			
117	.C..G..G..G..	.	G..A..A..	.	G..G..G..	.	G..G..G..	.	A..A..C..C..	Rhinolophus_ferrumequinum.seq			
117	.T..G..T..C..T..	.	G..A..CA..C..	.	C..A..C..	.	G..A..CA..C..	.	C..C..C..C..	Rousettus_aegyptiacus.seq			
117	.	.	C..C..A..C..	.	A..A..	.	TT..CA..	.	.	.	Manis_javanica.seq		
117	.	C..C..A..C..	.	A..A..	.	G..C..	.	.	.	C..C..C..C..	Pholidota		
93	.	C..C..A..C..	.	A..A..	.	G..C..	.	.	.	C..G..C..G..	Felis_catus.seq		
114	.	G..T..C..C..	.	T..C..A..	.	A..T..	.	.	.	C..C..C..C..	Panthera_tigris.seq		
114	.	T..C..A..	.	C..C..A..	.	A..T..	.	.	.	C..C..C..C..	Vulpes_vulpes.seq		
117	.	A..C..A..	.	C..A..A..	.	ATT..G..	.	.	.	C..C..C..C..	Canis_lupus_familiaris.seq		
117	.	A..C..A..	.	C..A..A..	.	ATT..A..G..	.	.	.	C..C..C..C..	Mustela_putorius_furo.seq		
117	.	T..T..C..T..A..A..C..	.	C..G..G..C..	.	G..G..CA..	.	.	.	T..C..C..C..	Lontra_canadensis.seq		
117	.	C..C..G..G..C..	.	C..G..G..C..	.	C..G..C..	.	.	.	C..C..C..C..	Mus_musculus.seq		
117	.	T..A..C..	.	G..CT..	.	T..	.	.	.	C..C..C..C..	Rattus_norvegicus.seq		
117	.	G..A..A..	.	T..A..A..	.	T..A..	.	.	.	C..C..C..C..	Cricetulus_griseus.seq		
126	C..G..G..G..C..	.	C..T..A..C..A..	.	C..T..C..A..	.	G..	.	.	C..C..C..C..	Oryctolagus_cuniculus.seq		
117	.TC..T..A..C..A..	.	C..A..T..A..	.	A..T..A..	.	TAA..G..	.	CAC..C..C..	Ochotona_princeps.seq			
117	.TC..T..A..C..A..	.	C..A..T..A..	.	A..T..AA..	.	TAA..	.	CAC..C..C..	Homo_sapiens.seq			
117	.TC..A..C..A..A..T..A..	.	C..A..T..A..	.	A..T..AA..	.	TAA..	.	CAC..C..C..	Macaca_fascicularis.seq			
117	.TC..T..A..C..A..A..T..A..	.	C..A..T..A..	.	A..T..AA..	.	TAA..	.	CAC..C..C..	Macaca_mulatta.seq			
117	.TC..T..A..C..A..A..T..A..	.	C..A..T..A..	.	A..T..AA..	.	TAA..	.	CAC..C..C..	Macaca_nemestrina.seq			
117	.TC..T..A..C..A..A..T..A..	.	C..A..T..A..	.	A..T..AA..	.	TAA..G..	.	CAC..C..C..	Pan_troglodytes.seq			
117	.TC..T..A..C..A..A..T..A..	.	C..A..T..A..	.	A..T..AA..	.	TAA..	.	GCAC..C..C..	Papio_anubis.seq			
117	.	G..C..C..A..A..	.	T..A..G..T..	.	T..G..	.	GAG..C..C..	.	C..C..C..C..	Loxodonta_africana.seq		
114	CAGC..G..AC..C..G..C..C..	.	C..A..T..G..CA..C..AGG..A..	.	G..G..A..T..G..G..A..A..	.	G..GGCC..G..AC..T..	.	G..AC..T..	Gallus_gallus.seq			
114	CAGC..G..AC..C..A..G..C..C..	.	C..A..T..G..CA..C..AGG..	.	G..G..G..C..G..G..A..A..	.	G..GGCC..G..AC..T..	.	G..AC..T..	Meleagris_gallopavo.seq			
114	CAAC..G..AC..C..C..A..G..C..C..	.	C..A..T..G..CG..C..AC..	.	C..G..G..T..G..A..	.	G..GGCC..G..A..	.	G..A..	Anas_platyrhynchos.seq			
114	CAGC..G..G..C..C..C..A..C..C..	.	C..C..T..G..C..AGG..A..	.	G..G..CT..G..C..A..TC..	.	G..GGCC..G..AC..	.	G..AC..	Aquila_chrysaetos_chrysaetos.seq			
113	CAGC..G..G..C..C..C..A..C..C..	.	C..C..T..G..C..AGG..A..	.	G..G..CT..G..C..G..C..GGC..	.	G..GGCC..G..AC..	.	G..AC..	Accipitriformes			
102	.A..G..C..A..GCC..C..	.	A..A..C..A..G..A..	.	A..AT..G..	.	AG..CA..TA..GCA..T..C..A..	.	G..	Crocodylus_porosus.seq			
102	.A..G..G..GCC..C..	.	C..A..A..C..A..G..	.	A..AT..G..	.	AG..TA..GCA..T..C..A..	.	G..	Alligator_sinensis.seq			
114	GC..C..C..C..	.	C..C..T..A..C..A..	.	A..A..	.	A..TA..C..T..GCA..CC..A..	.	CC..A..	Pelodiscus_sinensis.seq			
114	A..GC..C..C..G..C..	.	C..C..G..C..TC..AG..	.	A..A..	.	A..C..T..GCA..C..A..	.	C..A..	Chrysemys_picta_bellii.seq			
114	GC..C..C..G..C..C..	.	C..C..A..C..CTG..	.	A..A..	.	A..C..T..C..GCA..C..A..	.	C..A..	Chelonia_mydas.seq			

GATTCTGGAAAATCCATGCTAACTGAGCCAGGCATGCCGGAAAGTGGTCTGCCACCCACAGCTGGACCTGGGAAGGGTACTTCAGGATCAAGATGTGACAAAGGTACAATGGAT Majority

Shaded region - Spike interacting region : 1058bp - 1071bp of *Homo sapiens*

	1010	1020	1030	1040	1050	1060	1070	1080	1090	1100	1110	1120	
974	.	C.....	G.....		G.....		G.....	T.....		G.....	C.....		Bos_indicus.seq
974	.	C.....	G.....		G.....		G.....	T.....		G.....	C.....		Bos_indicus x Bos_taurus.seq
974	.	C.....	G.....		G.....		G.....	T.A.....		G.....	C.....		Bos_taurus.seq
974	.	C.....	G.....		G.....		G.....	T.....		G.....	C.....		Bison_bison_bison.seq
971	.	C.....	G.....		G.....		G.....	T.....		G.....	C.....		Bubalus_bubalis.seq
974	.	C.....	G.....		G.....		G.....	T.....		G.....	C.....		Ovis_aries.seq
974	.	A.C.....	G.....		G.....		G.....	T.....		G.....	C.....		Capra_hircus.seq
977	A.T.....		G.....	T.A.....		C.....	C.....		A.....	G.....			Sus_scrofa.seq
977	T.....		T.....						G.....				Camelus_bactrianus.seq
977	T.....		T.....						G.....				Camelus_dromedarius.seq
911				T.....		C.....							Equus_asinus.seq
977				T.....		C.....							Equus_caballus.seq
968				A.....	AT..C.T..G.....		T.....	AAAA.....	A.....		C.....		Phyllostomus_discolor.seq
977	A.....	A.T.....		A...A..A.....	C.....			A.C.....	TC.....	A.....	G.....		Pteropus_alecto.seq
974	.G.....	A.T.....					C.....						Myotis_brandtii.seq
974	.A.T.....	G.....					AAC.....			C.....			Eptesicus_fuscus.seq
974	.T.....	A.....	A.....	C.....	G.....		TAAA.....			C.....			Desmodus_rotundus.seq
977		A.T.....		C.....	C.....		C.....		T.....				Rhinolophus_ferrumequinum.seq
977	C.....	A..TG.....		A.A..A..A.....	C.....			A.....	TC.....	G.....	A.....		Rousettus_aegyptiacus.seq
977	C.....		A.....		G.....		G.....	CAC.....	A.....				Manis_javanica.seq
983			C.....	A..CA.....			A.....				G.....		Felis_catus.seq
953			C.....	A..CA..A.....			A.....				G.....		Panthera_tigris.seq
974			G.....	A.T..CA.....			A.....			A.G.....			Vulpes_vulpes.seq
974	A.....	GG.....		A.T..CA.....			A.....			A.G.....			Canis_lupus_familiaris.seq
977	.G.....	C.....		G.....	CAA.....			A.....	C.....		G.....		Mustela_putorius_furo.seq
977	.G.....	C.....		G.....	CAA.....			A.....	C.....		G.....		Lontra_canadensis.seq
977		C.....	T.....	G.....	CA.....		T.....	AC.C..A.....	A.....	T.....	C.....		Mus_musculus.seq
977		AC.....	G.....	A.....	A.....		T.....	AC.T..A.....	A.....		C.....		Rattus_norvegicus.seq
977		G.....	G.....	T.....	A.....			A.....	A.....	T.....	C.....		Cricetulus_griseus.seq
977			A.....				C.....		C.....		A..A.....		Oryctolagus_cuniculus.seq
986			A.....		T.....	T.....		A..A..A.....					Ochotona_princeps.seq
977			T.....	G..C..AA..TT.A.....	CA.....	T.....		C.....	CTT.....		C.....		Homo_sapiens.seq
977			T.....		AA..TT.A.....	A.....			TT.....		C.....		Macaca_fascicularis.seq
977			T.....		AA..TT.A.....	A.....			TT.....		C.....		Macaca_mulatta.seq
977			T.....		AA..TT.A.....	A.....			TT.....		C.....		Macaca_nemestrina.seq
977			T.....	G..C..AA..TT.A.....	CA.....	T.....		C.....	CTT.....		C.....		Pan_troglodytes.seq
977			T.....		AA..TT.A.....	A.....			TT.....		C.....		Papio_anubis.seq
962				A.....	A.....	T.....	C.....			G.....			Loxodonta_africana.seq
977	C.....	AC.....	C..A.....	CAC..CAA..A.....	G..T.....	T..T.....	A.....	TA.....	AA.....	A.....	C.....	T.....	Gallus_gallus.seq
977	C.....	AC..T.....	C..A.....	CAC..CAA..A.....	G..T.....	T..T.....	A.....	TA.....	A..AA.....	A.....	C.....		Meleagris_gallopavo.seq
977	C..T..A.....	C..A.....	GAC..CAA..A.....	G..T.....	T..T.....	G..A.....	TA.....	C..AAA.....	A.....	A.....	C..A.....	C.....	Anas platyrhynchos.seq
977	C.....	A.T..T..T.....	C..A.....	GAC..CAA..A.....	G..T.....	T..T.....	G..G.....	T.....	AAA.....	A.....	T.....	C.....	Aquila_chrysaetos_chrysaetos.seq
967	C.....	A.T..T..T.....	C..A.....	G.C..CAA..A.....	G..T.....	T..T.....	G..G.....	T.....	AAA.....	A.....	T.....	C.....	Haliaeetus_albicilla.seq
965	T.....	A.C.....	T.....	TAAT.....	--A..A..G.....	T.....	T.....	TA.....	A..TAAG.....	T.A.....	C..A.....	T.....	Crocodylus_porosus.seq
965	T.....	ATC..T..T.....	T.....	TAAT.....	--A..A..G.....	T.....	T.....	TA.....	A..T..AAG.....	T.A.....	C..A.....	T.....	Alligator_sinensis.seq
977	C.....	A..G.....	A..T..A.....	TAAT.....	AA..A..G.....	T..T.....	T.....	TA.....	A..AAAG.....	T..AT.....	T..A.....	GC.....	Pelodiscus_sinensis.seq
977	C.....	A..C..T..T..A..T..A.....	TAA.....	A..A..G.....	T..T.....	T.....	TA.....	AAAG.....	T..AT.....	T..A.....	GT.....		Chrysemys_picta_bellii.seq
977	C.....	A..C..T..T..A..T..A.....	TAA.....	A..A..G.....	T..T.....	T.....	TA.....	AAAG.....	T..AT.....	T..A.....	GT.....		Chelonia_mydas.seq