|  |  |  |
| --- | --- | --- |
| **Location** | **PCR Primers** | **Pyrosequencing Primers** |
| Promoter35,657,180-35,657,570 | 5’-GTAGGTTAGGTTGTTTGTTAGGTTAGT-3’5’-CCAAATACAACTCCTACATCTCTATA-3’5’-TGGTTAGGTTAGTTTTAGGAAGTAAT-3’5’-CAAAAATAACCATCTAATTAACAATCTACC-3’\* | 5’- AGTAATTTTATTAAGTTTAAGATGT -3’5’- GGAGATTAAAATAGGAAGAGGTTTTA -3’5’- GTTTGTAATTTTAGTATTTTGGAAGG -3’5’- TAGTTAATATGGTGAAATT -3’5’- AAATATAAAAATTAGTTGGGTTTGGTG -3’5’- GGGAGGTTGAGGTAGGAGAA -3’5’- TGGGAGGTAGAGGTTGTAGTGAG -3’ |
| Intron 135,655,608-35,655,700 | 5’-AGTTTAAATTGTTTTATGTAGAATTTATTGA-3’5’-TCACTCCCAAACCATACC-3’5’-GTTTTGAATTATATTGAAGGGTATTT-3’5’-CAAAACTCCTTATACTCTTCTATTCTAA-3’\* | 5’- ATAATTTGAAATTTATTA -3’5’-GTAGAATTYGATTTTAGAGA-3’5’-GAAGAAAGTTATTTTGTATTTTG-3’ |
| Intron 2 Region 135,605,303-35,605,534 | 5’-GGTTTAATGTTTTATATTTTGATAGTA-3’5’-CTTTACTTAAACTTCTTTTTAAATA-3’5’-GTTTTGTAGTTTAGGTTGGAGTGTAATG-3’5’-AAAATCCACCATTCTTTCTAATCT-3’\* | 5’-GGTTGGAGTGTAATGGTA-3’5’-GAGTAGTTGGGATTATAGG-3’5’-ATTATGTTGGTTAGGTTGGTT-3’5’-GATTATAAGTATGAGTTA-3’ |
| Intron 2 Region 235,606,441-35,606,662 | 5’-GAGTAGTAGAGATTATAGGTATATGT-3’5’-ATAACTCTCTAACTCTCTAATAACC-3’5’-GTTGGTTTGGAATTTTTGAGTTTTAATG-3’5’-ATTCATCCCACATACCCAATTACTA-3’\* | 5’-TGGAATTTTTGAGTTTTAATGA-3’5’-TGAGATTATTGGTATAAGTT-3’5’-GATATTATATAATATTTTATAAGTGT-3’5’-GAGGTTATGTTTAATTGTAAGTT-3’ |
| Intron 2 Region 335,607,855-35,608,021 | 5’-GTGTTAATAATGGTGTAGGAGAAATAAT-3’5’-CCTTTTATTACTATACCTTTTTCTATA-3’5’-TAAGATGGAAGAATTAAGAGATGT-3’5’-TTACCTACAATATTCAATACAATAACAC-3’\* | 5’-AGAAATAAAATAAAAGAAATGT-3’5’-GAAATATATATAGTTATGTA-3’5’-ATAGGGATATGTTTTGAGAAATGTG-3’5’-GTAGAGTGTATTTATATAAATTTAGATGG-3’ |
| Intron 2 Region 435,609,503-35,609,664 | 5’-AAGTAAGATATATTTTAAGAGGAA-3’5’-TATAATCTCAACTCACTACAACCT-3’5’-AAGAGGAAATAGTAAAAGATATTTTTATTG-3’\*5’-CCTCCTAAATTCAAACAATTCTACC-3’ | 5’-TCTACCTCAACCTCC-3’5’-ACTCCTAACCTCAAATAATC-3’5’-TTACAAACATAAACCAC-3’ |
| Intron 535,569,751-35,569922 | 5’-GGTAGAGAAAGAAATAAATAAGTTA-3’5’-TTCTTACATTTCATTTTTATTACTACTA-3’5’-AAGATTATGTAATTTAAAGGGGGAGGG-3’\*5’-CTCTCTTTCCTTTTTTCCCCCCTAT-3’ | 5’-TCTTTCCTTTTTTCCCCCCTATT-3’5’-CAATTTAAATAATATTTTACAACT-3’ |
| Intron 735,558,386-35,558,721 | 5’-AGAGTGAAATTGAGATGGAAATATGT-3’5’-AATTTCTTCTCCATCCACTTCCTATA-3’5’-AGGAGGTATGTTGTTTTTGGAATTTAAG-3’5’-AATTTATCTCTTACCTCCAACACT-3’\* | 5’-GGAGAAGTATAAAAAAAAAATGG-3’5’-GTTATAGAGTTTAGTGGTTT-3’5’-GGAGTTATAGTGTAGGTTTT-3’5’-TTAAGGAGTTATTTGGTAGA-3’5’-TGATATATAGGAATAAAATAAGAAT-3’ |
| rs136078035,607,571 | 5’-CAATTCACATATATTCAGAAGAGATC-3’5’-CAGCAGTAGCAAGTAAGAATT-3’\* | 5’-AAGGCTTTCACATAAGCAAAGTTA-3’ |

**Supplementary Table 1.** Genomic coordinates (UCSC Genome Browser: GRCg37/hg19 Assembly) and primer sequences for FKBP5 pyrosequencing and genotyping on Chromosome 6.

\*Biotinylated and HPLC-purified primer.